Alignment of instant SEQ ID NO: 3 and SEQ ID NO: 19 of 12/349,899

```
>lcl|27253 SID_19
Length=594

 Score = 1098 bits (594),  Expect = 0.0
 Identities = 594/594 (100%), Gaps = 0/594 (0%)
 Strand=Plus/Plus

Query  2032  CTGCCCGGGTGGCATCCCTGTGCACCCCTCCCCAGTGCCTCTCCTGGTCGTGGAAGGTGCT  2091
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Sbjct  1     CTGCCCGGGTGGCATCCCTGTGCACCCCTCCCCAGTGCCTCTCCTGGTCGTGGAAGGTGCT  60

Query  2092  ACTCCAGTGCCCACCAGCCTTGTCCTAATAAAATTAAGTTGCATCATTTTGTTTGACTAG  2151
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Sbjct  61    ACTCCAGTGCCCACCAGCCTTGTCCTAATAAAATTAAGTTGCATCATTTTGTTTGACTAG  120

Query  2152  GTGTCCTTGTATAATATTATGGGGTGGAGGCGGGTGGTATGGAGCAAGGGGCCAGGTTGG  2211
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Sbjct  121   GTGTCCTTGTATAATATTATGGGGTGGAGGCGGGTGGTATGGAGCAAGGGGCCAGGTTGG  180

Query  2212  GAAGACAACCTGTAGGGCCTTCAGGGTCTATTCGGGAACCAGGCTGGAGTGCAGTGGCAG  2271
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Sbjct  181   GAAGACAACCTGTAGGGCCTTCAGGGTCTATTCGGGAACCAGGCTGGAGTGCAGTGGCAG  240

Query  2272  TCTTGGCTCGCTGCAATCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAGTCTCCC  2331
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Sbjct  241   TCTTGGCTCGCTGCAATCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAGTCTCCC  300

Query  2332  GAATAGTTGCGATTCCAGGCATGCAAGACCAGGCTCAGCTAATTTTTGTATTTTTGGTAG  2391
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Sbjct  301   GAATAGTTGCGATTCCAGGCATGCAAGACCAGGCTCAGCTAATTTTTGTATTTTTGGTAG  360

Query  2392  AGACGGGGTTTCACCATATTGGCCAGTCTGGTCTCCATCTCCTGACCTCAGGTAATCCGC  2451
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Sbjct  361   AGACGGGGTTTCACCATATTGGCCAGTCTGGTCTCCATCTCCTGACCTCAGGTAATCCGC  420

Query  2452  CCGCCTCGGCCTCCCAAATTGCTGGGATTACAGGTATGAGCCACTGGGCCCTTCCCTGTC  2511
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Sbjct  421   CCGCCTCGGCCTCCCAAATTGCTGGGATTACAGGTATGAGCCACTGGGCCCTTCCCTGTC  480

Query  2512  CTGTGATTTTAAAATAATTATACCAGCAGAAGGACGTCCAGACACAGCATGGGCTACCTG  2571
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Sbjct  481   CTGTGATTTTAAAATAATTATACCAGCAGAAGGACGTCCAGACACAGCATGGGCTACCTG  540

Query  2572  GCCATGCCCAGCCAGTTGGACATTTGAGTTGTTTGCTTGGCACTGTCCTCTCAT  2625
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Sbjct  541   GCCATGCCCAGCCAGTTGGACATTTGAGTTGTTTGCTTGGCACTGTCCTCTCAT  594
```